

FIG. 1

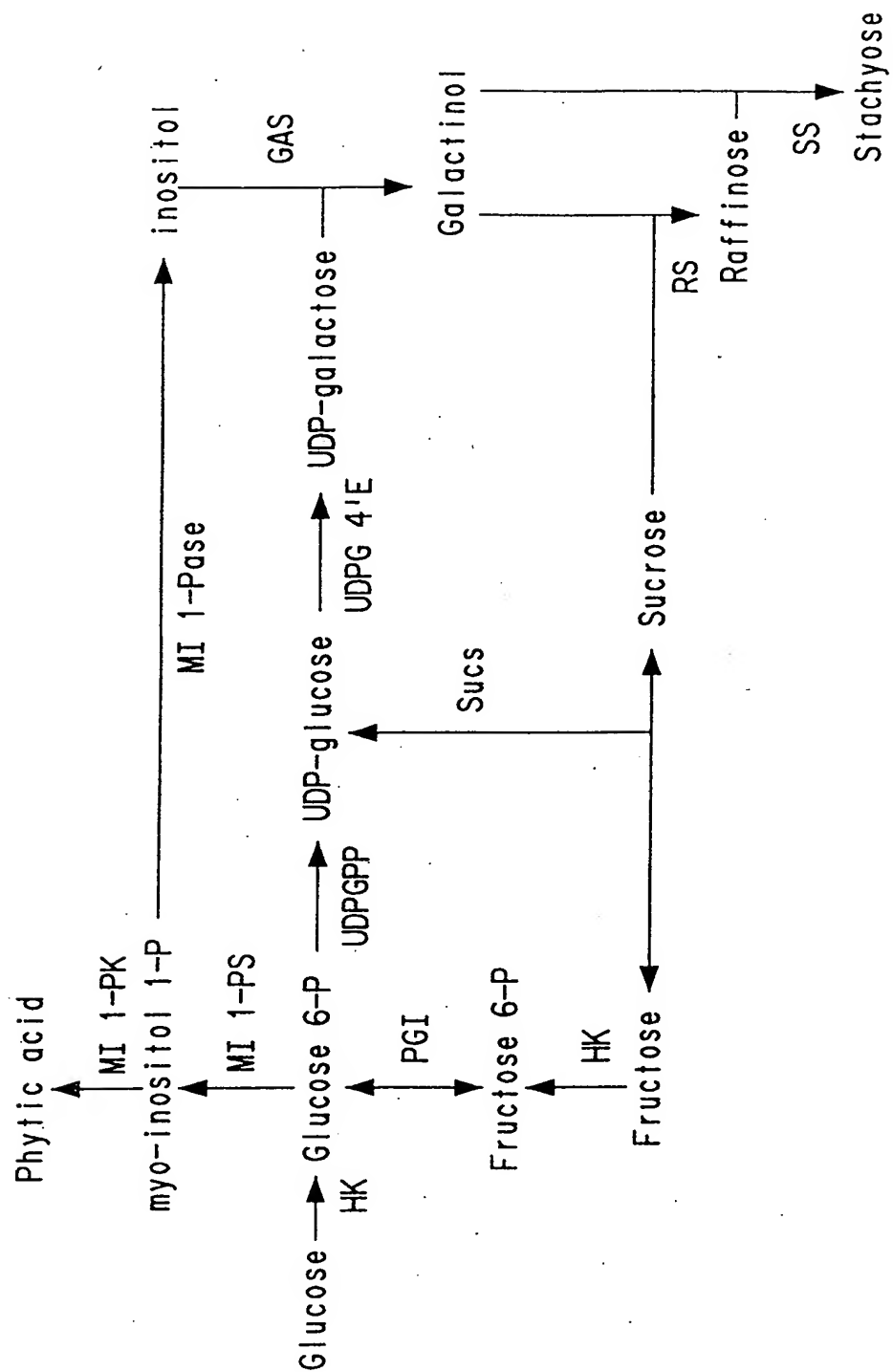


Figure 2

SEQ ID NO:1	1	ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGTTGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	60
SEQ ID NO:5		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGTTGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:9		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGTTGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:11		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGTTGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:13		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGTTGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:15		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGTTGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:1	61	CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCAGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	120
SEQ ID NO:5		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCAGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:9		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCAGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:11		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCAGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:13		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCAGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:15		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCAGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:1	121	CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAAACCAACAATCCATGTTCCCT	180
SEQ ID NO:5		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:9		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:11		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:13		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:15		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:1	181	AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	240
SEQ ID NO:5		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	
SEQ ID NO:9		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	
SEQ ID NO:11		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	
SEQ ID NO:13		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	
SEQ ID NO:15		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	

Figure 2 (cont.)

SEQ ID NO:1	241	GTTATTGCTAACCGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	300
SEQ ID NO:5		GTTATTGCTAACCGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:9		GTTATTGCTAACCGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:11		GTTATTGCTAACCGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:13		GTTATTGCTAACAGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:15		GTTATTGCTAACAGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:1	301	TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGGAGAGGAA	360
SEQ ID NO:5		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:9		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:11		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:13		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:15		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:1	361	ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	420
SEQ ID NO:5		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:9		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:11		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:13		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:15		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:1	421	GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	480
SEQ ID NO:5		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	
SEQ ID NO:9		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	
SEQ ID NO:11		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	
SEQ ID NO:13		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	
SEQ ID NO:15		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	

Figure 2 (cont.)

481	SEQ ID NO:1	ATCGATTTCAGAGCAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	540
	SEQ ID NO:5	ATCGATTTCAGAGCAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
	SEQ ID NO:9	ATCGATTTCAGAGCAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
	SEQ ID NO:11	ATCGATTTCAGAGCAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
	SEQ ID NO:13	ATCGATTTCAGAGCAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
	SEQ ID NO:15	ATCGATTTCAGAGCAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
541	SEQ ID NO:1	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGT CATCAAGGGC	600
	SEQ ID NO:5	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGT CATCAAGGGC	
	SEQ ID NO:9	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGT CATCAAGGGC	
	SEQ ID NO:11	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGT CATCAAGGGC	
	SEQ ID NO:13	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGT CATCAAGGGC	
	SEQ ID NO:15	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGT CATCAAGGGC	
601	SEQ ID NO:1	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	660
	SEQ ID NO:5	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
	SEQ ID NO:9	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
	SEQ ID NO:11	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
	SEQ ID NO:13	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
	SEQ ID NO:15	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
661	SEQ ID NO:1	AAAGTGGACAAAGTGGTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	720
	SEQ ID NO:5	AAAGTGGACAAAGTGGTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	
	SEQ ID NO:9	AAAGTGGACAAAGTGGTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	
	SEQ ID NO:11	AAAGTGGACAAAGTGGTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	
	SEQ ID NO:13	AAAGTGGACAAAGTGGTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	
	SEQ ID NO:15	AAAGTGGACAAAGTGGTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	

Figure 2 (cont.)

SEQ ID NO:1	721	GTGGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	780
SEQ ID NO:5		GTGGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:9		GTGGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:11		GTAGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:13		GTAGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:15		GTAGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:1	781	ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	840
SEQ ID NO:5		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:9		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:11		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:13		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:15		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:1	841	GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	900
SEQ ID NO:5		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:9		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:11		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:13		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:15		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:1	901	TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTTGTTGAT	960
SEQ ID NO:5		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTTGTTGAT	
SEQ ID NO:9		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTTGTTGAT	
SEQ ID NO:11		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTTGTTGAT	
SEQ ID NO:13		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTTGTTGAT	
SEQ ID NO:15		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTTGTTGAT	
SEQ ID NO:1	961	TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	1020
SEQ ID NO:5		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	
SEQ ID NO:9		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	
SEQ ID NO:11		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	
SEQ ID NO:13		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	
SEQ ID NO:15		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	

Figure 2 (cont.)

SEQ ID NO:1	1021	AATGATGGTATGAATCTTTCGGCTCCACAACATTTCGGTTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	1080
SEQ ID NO:5		AATGATGGTATGAATCTTTCGGCTCCACAACATTTCGGTTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:9		AATGATGGTATGAATCTTTCGGCTCCACAACATTTCGGTTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:11		AATGATGGTATGAATCTCTCGCTCCACAACCTTCCGCTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:13		AATGATGGTATGAATCTCTCGCTCCACAACCTTCCGCTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:15		AATGATGGTATGAATCTCTCGCTCCACAACCTTCCGCTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:1	1081	AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCTGGTGAACATCCA	1140
SEQ ID NO:5		AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCTGGTGAACATCCA	
SEQ ID NO:9		AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCTGGTGAACATCCA	
SEQ ID NO:11		AACGTTGTTGACGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCTGGTGAACATCCC	
SEQ ID NO:13		AACGTTGTTGACGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCTGGTGAACATCCC	
SEQ ID NO:15		AACGTTGTTGACGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCTGGTGAACATCCC	
SEQ ID NO:1	1141	GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCCATGGAT	1200
SEQ ID NO:5		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTACGTAGGGGACAGCAATGAGAGCCATGGAT	
SEQ ID NO:9		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCCATGGAT	
SEQ ID NO:11		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTACGTAGGGGATAGCAAGAGAGCCCATGGAT	
SEQ ID NO:13		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTACGTAGGGGATAGCAAGAGAGCCCATGGAT	
SEQ ID NO:15		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTACGTAGGGGATAGCAAGAGAGCCCATGGAT	
SEQ ID NO:1	1201	GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGC	1260
SEQ ID NO:5		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGC	
SEQ ID NO:9		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGC	
SEQ ID NO:11		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGT	
SEQ ID NO:13		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGT	
SEQ ID NO:15		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGT	

Figure 2 (cont.)

SEQ ID NO:1	1261	GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCTTCTTGCTGAGCTCAGC	1320
SEQ ID NO:5		GAGGATTCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCTTCTTGCTGAGCTCAGC	
SEQ ID NO:9		GAGGATTCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCTTCTTGCTGAGCTCAGC	
SEQ ID NO:11		GAGGATTCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCTTCTTGCTGAGCTGAGC	
SEQ ID NO:13		GAGGATTCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCTTCTTGCTGAGCTGAGC	
SEQ ID NO:15		GAGGATTCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCTTCTTGCTGAGCTGAGC	
SEQ ID NO:1	1321	ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	1380
SEQ ID NO:5		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:9		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:11		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:13		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:15		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:1	1381	ACCATCTCAGCTACCTCACCAAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGGTACACCAGTGGTGAAT	1440
SEQ ID NO:5		ACCATCTCAGCTACCTCACCAAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:9		ACCATCTCAGCTACCTCACCAAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:11		ACCATCTCAGCTATCTGACCAAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:13		ACCATCTCAGCTATCTGACCAAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:15		ACCATCTCAGCTATCTGACCAAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:1	1441	GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAACACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	1500
SEQ ID NO:5		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAACACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:9		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAACACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:11		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAACACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:13		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAACACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:15		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAACACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:1	1501	CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	1533
SEQ ID NO:5		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	
SEQ ID NO:9		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	
SEQ ID NO:11		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	
SEQ ID NO:13		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	
SEQ ID NO:15		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	

Figure 3

1
SEQ ID NO:2
SEQ ID NO:6
SEQ ID NO:10
SEQ ID NO:12
SEQ ID NO:14
SEQ ID NO:16
60
MFIENFKVECPNVKYTEIETEIQSVVNYETTEL VHENRNGTYQWIVPKPSVKYEFKTN IHVP
MFIENFKVECPNVKYTEIETEIQSVVNYETTEL VHENRNGTYQWIVPKPSVKYEFKTN IHVP
MFIENFKVECPNVKYTEIETEIQSVVNYETTEL VHENRNGTYQWIVPKPSVKYEFKTN IHVP
MFIENFKVECPNVKYTEIETEIQSVVNYETTEL VHENRNGTYQWIVPKPSVKYEFKTN THVP
MFIENFKVECPNVKYTEIETEIQSVVNYETTEL VHENRNGTYQWIVPKPSVKYEFKTN THVP
MFIENFKVECPNVKYTEIETEIQSVVNYETTEL VHENRNGTYQWIVPKPSVKYEFKTN THVP
61
SEQ ID NO:2
SEQ ID NO:6
SEQ ID NO:10
SEQ ID NO:12
SEQ ID NO:14
SEQ ID NO:16
120
KLGVMVLVGWGGNGSTLTGGVIANREGISWATKDKIQQANYFGSLTQASAIRVGSFQGEE
KLGVMVLVGWGGNGSTLTGGVIANREGISWATKDKIQQANYFGSLTQASAIRVGSFQGEE
KLGVMVLVGWGGNGSTLTGGVIANREGISWATKDKIQQANYFGSLTQASAIRVGSFQGEE
KLGVMVLVGWGGNGSTLTGGVIANREGISWATKDKIQQANYFGSLTQASAIRVGSFQGEE
KLGVMVLVGWGGNGSTLTGGVIANREGISWATKDKIQQANYFGSLTQASAIRVGSFQGEE
KLGVMVLVGWGGNGSTLTGGVIANREGISWATKDKIQQANYFGSLTQASAIRVGSFQGEE
121
SEQ ID NO:2
SEQ ID NO:6
SEQ ID NO:10
SEQ ID NO:12
SEQ ID NO:14
SEQ ID NO:16
180
IYAPFKSLLPMVNPDDIVFGGWDISNMNLADAMARAKVFDIDLQKQLRPYNESMLPLPGI
IYAPFKSLLPMVNPDDIVFGGWDISNMNLADAMARAKVFDIDLQKQLRPYNESMLPLPGI
IYAPFKSLLPMVNPDDIVFGGWDISNMNLADAMARAKVFDIDLQKQLRPYNESMLPLPGI
IYAPFKSLLPMVNPDDIVFGGWDISNMNLADAMARAKVFDIDLQKQLRPYNESMLPLPGI
IYAPFKSLLPMVNPDDIVFGGWDISNMNLADAMARAKVFDIDLQKQLRPYNESMLPLPGI
IYAPFKSLLPMVNPDDIVFGGWDISNMNLADAMARAKVFDIDLQKQLRPYNESMLPLPGI
181
SEQ ID NO:2
SEQ ID NO:6
SEQ ID NO:10
SEQ ID NO:12
SEQ ID NO:14
SEQ ID NO:16
240
YDPDFIAANQEEERANNVIKGTKEQVQQIIKDIKAFKEATKVDKVVVLWTANTERYSNLV
YDPDFIAANQEEERANNVIKGTKEQVQQIIKDIKAFKEATKVDKVVVLWTANTERYSNLV
YDPDFIAANQEEERANNVIKGTKEQVQQIIKDIKAFKEATKVDKVVVLWTANTERYSNLV
YDPDFIAANQEEERANNVIKGTKEQVQQIIKDIKAFKEATKVDKVVVLWTANTERYSNLV
YDPDFIAANQEEERANNVIKGTKEQVQQIIKDIKAFKEATKVDKVVVLWTANTERYSNLV
YDPDFIAANQEEERANNVIKGTKEQVQQIIKDIKAFKEATKVDKVVVLWTANTERYSNLV

Figure 3 (cont.)

241	SEQ ID NO:2	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	300
	SEQ ID NO:6	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
	SEQ ID NO:10	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
	SEQ ID NO:12	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
	SEQ ID NO:14	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
	SEQ ID NO:16	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
301	SEQ ID NO:2	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVSYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	360
	SEQ ID NO:6	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVSYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
	SEQ ID NO:10	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVSYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
	SEQ ID NO:12	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVSYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
	SEQ ID NO:14	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVSYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
	SEQ ID NO:16	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVSYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
361	SEQ ID NO:2	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	420
	SEQ ID NO:6	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
	SEQ ID NO:10	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
	SEQ ID NO:12	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
	SEQ ID NO:14	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
	SEQ ID NO:16	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
421	SEQ ID NO:2	EDSLLAAPIIIDLVLLAELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLT KAPLVPPGTPVVN	480
	SEQ ID NO:6	EDSLLAAPIIIDLVLLAELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLT KAPLVPPGTPVVN	
	SEQ ID NO:10	EDSLLAAPIIIDLVLLAELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLT KAPLVPPGTPVVN	
	SEQ ID NO:12	EDSLLAAPIIIDLVLLAELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLT KAPLVPPGTPVVN	
	SEQ ID NO:14	EDSLLAAPIIIDLVLLAELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLT KAPLVPPGTPVVN	
	SEQ ID NO:16	EDSLLAAPIIIDLVLLAELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLT KAPLVPPGTPVVN	
481	SEQ ID NO:2	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	511
	SEQ ID NO:6	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	
	SEQ ID NO:10	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	
	SEQ ID NO:12	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	
	SEQ ID NO:14	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	
	SEQ ID NO:16	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	